

GOMP  
O.P.T.A.

(Gestione Ordinamenti Manifesti e Programmazione Didattica)

Insegnamento in italiano **X**  
 Insegnamento in inglese  
 SSD: BIO/13  
 cfu: 2  
 Docente Cesare E. M. Gruber  
 orario di ricevimento Venerdì 16:00-17:00

Obiettivi Formativi	ITA	Utilizzo dei principali metodi di analisi dati da sequenziamento massivo (NGS), con particolare riferimento agli studi di espressione genica di tipo RNA-Seq
	ENG	Principles of Next Generation Sequencing (NGS) data analysis, with a special focus on RNA-Seq methods.
Programma	ITA	Principi di analisi del DNA, metodi di sequenziamento genomico massivo, sequenziamento e assemblaggio del genoma, allineamento locale e globale, annotazione del genoma e banche dati, sequenziamento e assemblaggio del trascrittoma, metodi di analisi dell'espressione differenziale, metodi di analisi funzionale dell'espressione genica.
	ENG	Principles of DNA analysis techniques; NGS methods; whole genome sequencing and assembly; global and local alignments; genome annotation and databases; transcriptome sequencing and assembly; transcripts differential expression methods; functional analysis of genes expression.
Testi	ITA	Il materiale didattico verrà messo a disposizione dal docente. Per la prima parte del corso, si suggerisce il testo "Biotecnologie Molecolari" di Terry A. Brown (Zanichelli 2017 - 2ª ediz.); capitoli 1, 9 e 10.
	ENG	Didactic materials will be made available by the professor. The book "Gene Cloning and DNA Analysis" of Terry A. Brown is also suggested for the first part of the course.

Valutazione	Prova Scritta	
	Prova Orale	<b>X</b>
	Prova Pratica	
	Test Attitudinale	
	Valutazione Progetto	
	Valutazione Tirocinio	
	Valutazione in itinere	



O Obiettivi formativi  
 P Programma  
 T Testi  
 A Altre informazioni per la trasparenza